

浙江工业大学教师等系列专业技术职务评聘综合考核表

所在单位：浙江工业大学信息工程学院

1.基本情况

姓名	胡俊	性别	男	出生年月	1989.10	申报类型	正常申报	
申报专技职务	副教授	申报教师（研究）系列类型		教学科研型	所属一级学科	控制科学与工程		
现专业技术职务		讲师		资格取得时间	2018.10	职务聘任时间	2018.10	
原专业技术职务								
最高学历(起止时间何校何专业)			研究生(2011.09 至 2018.04 南京理工大学 控制科学与工程)					
最高学位(起止时间何校何专业)			工学博士(2011.09 至 2018.04 南京理工大学 控制科学与工程)					
现从事专业及研究方向			控制科学与工程 生物信息学					
现担(兼)任党政职务		无		高校教师资格证书号码		20203300071002366		
是否取得教育理论培训合格证书		是	近三年年度考核情况		2019：优秀	2020：合格	2021：合格	
工作经历	1. 工作经历							
	起止时间		单位		从事何种专技工作		任何专技职务/任何岗位	
	2018.07 至今		浙江工业大学		专任教师		校聘副教授	
	2. 参加业务培训、出国（境）访学、助课（青年导师制）、新教师岗培、挂职、实践等经历							
	起止时间		内容		单位		学时（天数）	
	2021.03 至 2022.03		挂职		教育部学位与研究生教育发展中心		365 天	
	2018.09 至 2019.07		助课（青年导师制）		信息工程学院		48 学时	
	2018.07 至 2019.03		新教师岗培		教师教学发展中心		7 天	
	2016.10 至 2017.10		出国（境）访学		美国密歇根大学安娜堡分校		365 天	
							发表 SCI 期刊论文 2 篇	
	3. 国内外学术团体、行业协会兼职情况							
	起止时间		学术团体名称		职务		主要工作内容（简述）	
	2019.10 至今		浙江省生物信息学会		人工智能专委会秘书长		负责该专委会日常工作	
	4. 指导学生（含本科生导师、班主任、兼职辅导员等）或担任青年教师导师的经历（限填不超过 5 项）							
	起止时间		所任工作名称		指导对象		成果或业绩（简述）	
	2021.9 至今		本科生导师		陈靖文、包君泽、阮建明、林永权等 7 名同学		积极主动关心学生的学习生活，培养学生对科学研究的兴趣	
2019.09 至 2021.03		班主任		信息工程学院自动化 1901 班		积极组织参加班会，主动关心学生的学习生活		

2.任现职以来教书育人工作业绩

2.1 任现职（或近 5 学年）以来授课情况：近 4 年年均课堂教学学时数 118，年均教学工作量（含育人工作量） 当量学时；获奖情况：近 年累计 年获得 次“优课优酬”奖励。

学年	学期	讲授主要课程名称	授课对象及学生数	课堂教学学时数	实践教学学时数	是否优课优酬及课程名称	教学业绩等级
2018-2019	1	Java 程序设计(助课)					新教师助课
2018-2019	2	1. VC++应用编程 2. 软件工程	1. 2017 电子信息工程, 2017 电子科学与技术 (68 名学生); 2. 信息工程学院 18 级硕士生 (48 名学生)	1. 48 学时 2. 32 学时		否	合格
2019-2020	1	1. Java 程序设计 2. Java 程序设计	1. 2017 电子信息工程, 2017 通信工程, 2017 电子科学与技术 (106 名学生); 2. 通信 1603 通信工程, 通信 1604 通信工程(55 名学生)	1. 48 学时 2. 48 学时		否	合格
2019-2020	2	1. Java 程序设计 2. VC++应用编程 3. 软件工程	1. 2018 电气工程及其自动化 (46 名学生); 2. 2018 电子信息工程, 2018 电子科学与技术 (136 名学生); 3. 信息工程学院 19 级硕士生 (47 名学生)	1. 48 学时 2. 48 学时 3. 32 学时		否	合格
2020-2021	2						因挂职未授课
2021-2022	2	1. 程序设计基础 C 2. 程序设计基础 C 3. 生物信息学 4. 论文写作指导	1. 2021 机器人工程(感知与控制 1 班)(65 名学生); 2. 2021 机器人工程(结构与控制 2 班)(74 名学生); 3. 信息工程学院 21 级研究生(12 名研究生); 4. 信息硕 4 班(84 名学生)	1. 64 学时 2. 64 学时 3. 32 学时 4. 8 学时		否	合格

2.2 任现职以来指导研究生情况

指导总人数/授予博士学位人数	指导总人数/授予硕士学位人数	成果或业绩（简述）
0/0	11/4	指导研究生发表 SCI 期刊论文 5 篇，其中 硕士研究生一作论文 2 篇(含 1 篇 TOP 期刊 Bioinformatics 论文) ；指导硕士生饶亮获得学院的十佳“学术之星”，指导研究生郑琳琳获得学院的优秀学位论文

2.3 教材、教改论文及项目（“教学为主型”限填不超过 5 项，其他限填不超过 3 项，如作为送审代表作需备注）

教材名称	出版社名称	出版时间	出版社级别	教材级别	本人排名
教学研究论文题目	刊物、刊号、卷（期）数	发表时间	收录情况	转载情况	本人排名
教改项目名称（须注明立项号或文件号）	项目来源和类别	起止年月	到校经费/项目经费（万）	是否结题	本人排名

2.4 教学育人奖励（教学成果奖、教学名师、讲课比赛、优秀导师等荣誉）（限填不超过 3 项）

获奖项目名称	奖励类别和等级	颁奖部门	奖励级别	获奖时间	本人排名
生命方舟-全球多域蛋白质结构计算引领者	省级教学成果一等奖(根据浙工大[2019]11号文件第十条认定)	中国国际"互联网+"大学生创新创业大赛组委会	省级(根据浙工大[2019]11号文件第十条认定)	2020.11	2/5

2.5 指导学生获奖情况（指导学生论文/发明专利/社会实践/课外科技/体育文艺活动等）（限填不超过 3 项）

学生姓名及学号	获奖、专利名称/论文题目	奖励类别和等级/名次/专利类型	颁奖部门/刊物信息	奖励级别/收录情况/专利号	获奖/授权/发表时间	本人排名
刘俊(2111703964)、彭春翔(2111703102)等	蛋白质结构多域组装预测系统	国赛二等奖	共青团中央、中国科协、教育部、中国社会科学学院、全国学联、北京市人民政府	国家级	2019.11	2/3
彭春翔(2111703102)、刘俊(2111703964)等	P-PRED 系统——蛋白质结构预测先行者	省赛金奖	浙江省大学生科技竞赛委员会、浙江省大学生创新创业大赛组委会	省级	2019.07	2/4

2.6 任现职以来在立德树人、人才培养方面的工作总结（不能简单列举数量，需重点阐述落实立德树人根本任务，在“三全育人”、“四有”好教师、教育教学改革创新、人才培养质量提升、课程思政建设等方面的工作成效，限填一页，不超过 800 字。）

自 2018 年 7 月进入浙江工业大学信息工程学院从事教学工作以来，在学校和学院的关心指导下，我不断学习，努力工作，在思想觉悟、教学能力、教学业绩等方面取得了较大的提高和进步。为了更好地做好今后的教学工作，总结经验、吸取教训，现将我近四年以来的教学工作情况进行总结。

一、思想方面

作为一名中共党员，我始终“不忘初心、牢记使命”，注重政治理论学习，认真学习贯彻习近平总书记系列重要讲话和中央重要会议、文件精神，坚持学思用贯通，知信行统一。我热爱祖国的教育事业，严格按照“学高为师，身正为范”来要求自己，把教书育人和自我修养结合起来，做到以德立身、以德立学、以德施教，积极向“四有”好教师靠拢，努力培养一代又一代立志为中国特色社会主义奋斗终身的有用人才，为中华民族的伟大复兴贡献自己的力量。

二、教学方面

近四年来，我主讲了本科生的专业与选修课程《程序设计基础 C》、《VC++应用编程》和《Java 程序设计》，并开设了新的研究生专业选修课程《生物信息学》，与此同时还主讲了研究生课程《论文写作指导》和《软件工程》。在课堂上，除了讲授知识点，我还经常指出国内与国外在核心技术上存在的差距，来激发学生的爱国报国之情。无论是课上还是课下，我都会鼓励学生养成终身学习的习惯，做能持续进步、全面发展的有用之才，将课程思政工作融入到课内外的教学活动中。在学生指导方面，我指导硕士研究生共发表 SCI 论文 5 篇，其中**硕士研究生第一作者论文 2 篇(领域内 TOP 期刊 Bioinformatics 论文 (Bioinformatics, 2022, 38(2): 556-558)与 SCI 期刊 Analytical Biochemistry 论文 (Analytical Biochemistry, 2021, 631: 114358))**，指导本科生毕业设计课题 10 余项；此外，我还指导学生团队参加了“第六届中国国际‘互联网+’大学生创新创业大赛”、“第十六届‘挑战杯’全国大学生课外学术科技作品竞赛”与“‘建行杯’第五届浙江省‘互联网+’大学生创新创业大赛暨第五届‘互联网+’大学生创新创业大赛选拔赛”，分别取得了**国赛银奖、国赛二等奖和省赛金奖**的成绩。在指导学生的整个过程中，我以学生为中心，引导学生进行发散性思维训练，鼓励学生学会自己去发现问题、思考问题、解决问题。

以上是我近四年以来的思想、教学工作的总结。在往后的岁月里我会更加积极认真地做好各项教学工作，希望继续在领导和同事的帮助下取得更大进步，为祖国的教育事业奋斗终生。

3.任现职以来科学研究业绩

3.1 代表性或标志性成果

3.1.1 发表论文、著作（正高限填 6 篇/部，其他职务限填 5 篇/部，仅限所从事岗位相关学科、专业领域的论著，送审代表作排最前面且备注）

论文题目		刊物名、刊号、卷(期)数	发表时间	收录、转载等情况	本人排名	是否唯一通讯作者	第一作者(姓名及学号)
TargetDBP: Accurate DNA-Binding Protein Prediction via Sequence-based Multi-View Feature Learning (送审代表作)		IEEE-ACM TRANSACTIONS ON COMPUTATIONAL BIOLOGY AND BIOINFORMATICS、1545-5963、17(4)	2020.08	SCI 收录 JCR1 区 (WOS:000556777900029)	1/5		
TargetDBP+: Enhancing the Performance of Identifying DNA-Binding Proteins via Weighted Convolutional Features (送审代表作)		JOURNAL OF CHEMICAL INFORMATION AND MODELING、1549-9596、61(1)	2021.01	SCI 收录 JCR1 区 (WOS:000613719400044)	1/5		
Assembling multidomain protein structures through analogous global structural alignments		Proceedings of the National Academy of Sciences、0027-8424、116(32)	2019.08	SCI 收录 JCR1 区 (WOS:000478971900033)	2/5		
Identification of ligand-binding residues using protein sequence profile alignment and query-specific support vector machine model		ANALYTICAL BIOCHEMISTRY、0003-2697、604	2020.09	SCI 收录 JCR2 区 (WOS:000556551500012)	1/4		
Accurate prediction of protein-ATP binding residues using position-specific frequency matrix		ANALYTICAL BIOCHEMISTRY、0003-2697、626	2021.08	SCI 收录 JCR3 区 (WOS:000663454300003)	1/6		
专著/作品名称	出版社/展览馆名称	出版/ 展览/收藏时间		出版社级别	著作类别	本人排名	

3.1.2 科研项目（正高限填 6 项，其他职务限填 5 项，仅限所从事岗位相关学科、专业领域的项目）

项目名称（须注明立项号或文件号）	项目来源/类别/分类	起止年月	到校经费/项目经费（万元）	本人排名	是否结题
海量多源互补蛋白质数据的配体绑定位点预测研究(61902352)	国家自然科学基金/纵向/V 类项目	2020.01 至 2022.12	32.4/27	1/1	否
多域蛋白质残基接触图深度学习预测方法研究(LY21F020025)	浙江省自然科学基金/纵向/VI 类项目	2021.01 至 2023.12	10/10	1/7	否
多域蛋白结构组装预测方法研究(LZ20F030002)	浙江省自然科学基金/纵向/V 类项目	2020.01 至 2023.12	30/30	2/7	否
基于人工智能的蛋白质结构预测与设计-单序列蛋白及蛋白复合物结构预测(2021ZD0150100)	国家重点研发计划/纵向/IV 类项目	2022.01 至 2023.12	60/100	4/13	否

3.1.3 成果转化应用情况（理工科类限填不超过 5 项，人文社科类限填不超过 3 项）

专利名称	专利类型/专利授权号	授权国家	授权时间	本人排名	转化情况/转让费（万元）
一种基于差分进化的蛋白质二聚体结构预测方法	发明专利 /ZL201811315949.5	中国	2021.02	1/5	
一种基于接触图的蛋白质结构比对方法	发明专利 /ZL201910240720.8	中国	2021.02	1/6	
基于接触图与模糊 C 均值聚类的蛋白质结构域划分方法	发明专利 /ZL201910268930.8	中国	2021.04	1/6	
一种基于多序列联配信息的蛋白质二硫键预测方法	发明专利 /ZL201910311799.9	中国	2021.05	1/6	
一种蛋白质表面残基的快速确定方法	发明专利 /ZL201811059193.2	中国	2021.08	1/4	

决策咨询报告名称	呈报单位	呈报时间	本人排名	获批示/采纳情况
技术标准/规程/规范名称	标准编号	颁布机构	颁布时间	本人排名

3.1.4 科研（设计创作）获奖情况（科研成果奖、专利奖、建筑艺术设计奖、展览获奖等）（限填不超过 3 项）

获奖项目名称	奖励名称	颁奖部门	奖励级别	获奖时间	本人排名

3.2 学术业绩综述（不能简单列举数量，需填写申报人的学术能力、学术创新、学术贡献等，重点阐述所列标志性成果的创新性、科学价值或社会经济意义，参与的请阐述本人在其中发挥的作用，限填一页，不超过 800 字。）

近年来，申报人一直围绕“生命健康”这一国家战略需求进行研究工作，主要从事模式识别与生物信息学的相关研究工作，在蛋白质与配体复合物结构及其功能预测问题上进行了深入探索，研究成果可以帮助人们进行蛋白质功能注释、药物虚拟筛选和创新药物设计。申报人的学术能力得到了领域认可，在国际顶级综合性期刊 Proceedings of the National Academy of Sciences of the United States of America、Bioinformatics、Briefings in Bioinformatics、IEEE/ACM Transactions on Computational Biology and Bioinformatics 和 Journal of Chemical Information and Modeling 等领域权威期刊上发表论文 30 余篇（**被 Cell、Nature Communications、PNAS 等期刊论文累积引用 880 余次，H 因子为 18**），其中申报人为第一作者或通讯作者论文 15 篇（累积谷歌学术引用 298 次，SCI 他引 110 余次），并获批主持 1 项国家自然科学基金青年项目、1 项浙江省自然科学基金探索非 Q 项目和 1 项浙江省高校基本科研业务费项目，作为主要成员参与 1 项国家重点研发计划项目、2 项国家自然科学基金面上项目和 1 项浙江省自然科学基金重点项目，授权发明专利 16 项，搭建了 26 个蛋白质数据相关的计算服务平台（累积提供在线计算服务 10 万余次）。

针对小分子结构比对问题，申报人作为第一作者首次提出了原子级柔性对接方法 LS-align (Bioinformatics, 2018, 34(13): 2209-2218)，弥补了小分子结构原子级柔性比对方方法的空缺，**美国科学院院士、美国癌症协会 Tony Hunter 教授团队发表在 PNAS 期刊上的研究工作(2021, 118(6): e2010644118)明确表明使用了申报人该项研究成果，华南理工大学王领教授团队发表在 Briefings in Bioinformatics (2021, 22(6) bbab231)上的工作，详细比较了 LS-align 与最近新出现的方法，比较结果显示了 LS-align 是最好的三个小分子结构比对方方法之一，其性能优于商业软件 Phase 和 ROCS；**针对多域蛋白质结构预测问题，申报人作为第二作者参与提出了基于模板搜索的蛋白质多域组装算法(PNAS, 2019, 116(32): 15930-15938)，主要贡献在于采用分而治之的思想设计能量函数，从数据库中搜索最优模板，提升了多域蛋白质结构预测精度，**意大利帕多瓦大学 Silvio C. E. Tosatto 教授发表在 Nature Method 期刊上的研究工作(2021, 18(10): 1122-1127)引用并阐述了申报人该项研究的工作思路；**针对蛋白质与 ATP 复合物结构预测问题，申报人作为通讯作者(学生一作)提出了基于模板的对接方法 ATPdock (Bioinformatics, 2022, 38(2):556-558)，将蛋白质与 ATP 复合物预测精度大幅度提升，**源码及在线服务网站已被来自中国、美国以及加拿大等国家的研究学者使用；**针对蛋白质与 DNA 相互作用预测方法研究中的有效特征信息提取困难的问题，申报人作为第一作者在提出新蛋白质序列特征的基础上，结合使用差分进化和卷积运算思想，对原始蛋白质特征信息进行二次处理，去除了特征中的冗余信息，提升了蛋白质与 DNA 相互作用的预测性能，相关研究成果已发表在 SCI 期刊 IEEE/ACM Transactions on Computational Biology and Bioinformatic (2020, 17(4):1419-1429)和 Journal of Chemical Information and Modeling (2021, 61(1): 505-515)上(**被 Briefings in Bioinformatics 等期刊论文累积引用次数 38 次**)，所提供的**在线服务网站已被来自中国、美国及印度等国家的研究学者广泛使用，使用次数已达到 8000 余次。**

上述工作可以帮助我们揭示蛋白质在细胞内与 DNA、ATP 等配体相互作用的机理，进一步指导新药设计，缩短制药周期，具有巨大的经济效益。除上述工作以外，申报人在 2018 年参与了由浙江工业大学与密歇根大学联合举办的“第一届结构生物信息学研讨会暨 I-TASSER2018 研讨会”的组织工作并做了学术报告；在 2019 年参与了浙江省生物信息学学会人工智能专委会筹备工作，并担任专委会的秘书长；2022 年 5 月在国际会议 ICBCB 2022 上做了特邀报告。

4.任现职以来的其他工作业绩

4.1 平台建设及社会服务情况（参与学院学科、课程、团队、实验室、学位授予点建设、重要国际学术会议作主题报告等情况）（限填不超过 5 项）

业绩类别	工作（或报告）名称	本人承担的工作内容（或国际会议报告地点）	起止时间	本人排名或所发挥作用	工作成效（简述）
学术研讨会	组织“第一届结构生物信息学研讨会暨 I-TASSER2018 研讨会”	会务组秘书、做学术交流报告	2018.11	负责会务组事务	研讨会顺利完成
学会专委会	成立“浙江省生物信息学会人工智能专委会”	专委会秘书长	2019.10	负责专委会筹备工作	专委会顺利成立
国际学术会议	Prediction of Protein-ATP Binding Sites and Their Docking Poses	中国杭州	2022.05	特邀报告	顺利完成，讨论热烈

5.考核情况

本人承诺：所从事的学术研究符合学术规范要求；本表内所填内容属实，所提供的材料客观真实，如与事实不符，本人愿承担一切责任。

本人签字：

日期： 年 月 日

所在单位师德考察意见

该同志品行端正，思想政治素养较好，能严守学术道德，师风师德高尚，无政治历史问题。

所在单位党委（总支）书记签字：

（加盖公章）

日期： 年 月 日

所在单位资格审查意见

经审核，上述材料均内容真实，与证明材料原件相符。该同志符合 ☐ 正常申报条件 / ☐ 破格、直报条件（满足破格条件：_____）。

审核人签字：

所在单位负责人签字：

（加盖单位公章）

日期： 年 月 日

注：所有业绩根据考核表中的限项要求严格限项填报，每个业绩只能填写在一项业绩栏。